

## Certificat d'Analyse(s)

<b>Propriétaire :</b> DROUOT Hélène	<b>DROUOT Hélène</b>
<b>Elevage :</b>	
<b>Demandeur :</b> DROUOT Hélène	
<b>Organisation :</b> PRO	
<b>Préleveur :</b> MINDEGUIA Marie (30843)	85600 MONTAIGU

---

<b>Date de prélèvement :</b> 22/10/2021	<b>Date de réception :</b> 25/10/2021
<b>Nombre de prélèvements :</b> 1	<b>Nature des prélèvements :</b> Buccal (brossette)
<b>Espèce :</b> CHAT	<b>Race :</b> MCO - Maine Coon
<b>Date de naissance :</b> 14/07/2021	<b>Sexe :</b> Femelle

### Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 27/10/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC49348 Nom : PURR PLE FAIRY S SWEET LULLABY Puce : 250268743704581		PORTEUR (+/-)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 29/10/2021

Anne-Sophie Guyomard  
Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DROUOT Hélène

DROUOT Hélène

Elevage :

Demandeur : DROUOT Hélène

Organisation : PRO

Préleveur : MINDEGUIA Marie (30843)

85600 MONTAIGU

Date de prélèvement : 22/10/2021

Date de réception : 25/10/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 14/07/2021

Sexe : Femelle

### Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 27/10/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC49348 Nom : PURR PLE FAIRY S SWEET LULLABY Puce : 250268743704581		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 29/10/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



## Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DROUOT Hélène

**DROUOT Hélène**

Elevage :

Demandeur : DROUOT Hélène

Organisation : PRO

Préleveur : MINDEGUIA Marie (30843)

85600 MONTAIGU

Date de prélèvement : 22/10/2021

Date de réception : 25/10/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 14/07/2021

Sexe : Femelle

## Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 27/10/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC49348 Nom : PURR PLE FAIRY S SWEET LULLABY Puce : 250268743704581		NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6)" présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Fait à Loudéac, le 29/10/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

## Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : DROUOT Hélène

DROUOT Hélène

Elevage :

Demandeur : DROUOT Hélène

Organisation : PRO

Préleveur : MINDEGUIA Marie (30843)

85600 MONTAIGU

Date de prélèvement : 22/10/2021

Date de réception : 25/10/2021

Nombre de prélèvements : 1

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 14/07/2021

Sexe : Femelle

### GS ADN

Date d'exécution : 27/10/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC49348 Nom : PURR PLE FAIRY S SWEET LULLABY Puce : 250268743704581		nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN

Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 29/10/2021

Anne-Sophie Guyomard

Chargée de développement génétique et génomique

